# Cefuroxime axetil (CXM-AX) の健康人および マウスの腸内細菌叢に及ぼす影響

沢 赫 代・沢 村 治 樹・山 岡 一 清・関 ロ 和 夫 小林とよ子・渡 辺 邦 友・上 野 一 恵 岐阜大学医学部附属嫌気性菌実験施設

健康な男性の志願者 5 例に Cefuroxime axetil (CXM-AX) の 250 mg を 1 日 3 回, 16 日間連続して経口投与し、腸管内細菌叢に対する影響を糞便中の細菌数の変動を検索することにより検討した。各種の嫌気性菌群の減少と Enterococcus faecalis, Bacillus の増加がみとめられた。しかし、これらの変化は薬剤投与終了後、比較的速やかに回復した。薬剤を内服した 5 名の志願者は、全例とも下痢は認められなかった。しかし、投与中または投与終了後、3 例において小数の Clostridium difficile が検出された。

Cefuroxime axetil (CXM-AX) は英国 Glaxo 社で 開発された経口用セファロスポリン剤で, 経口投与によりほとんど吸収されなかった Cefuroxime (CXM) の 1-acetoxyethyl ester 誘導体である。

本剤はそれ自体にはほとんど抗菌活性はないが、経口投与された CXM-AX は腸管壁内で脱エステル化されて CXM として吸収され、抗菌力を発揮する。 CXM は好気性菌の  $\beta$ -lactamase に安定なため、広い抗菌スペクトラムを有し、グラム陽性球菌、グラム陰性桿菌に対しても従来の経口用セファロスポリン剤に比して強い抗菌力を有するが、 Pseudomonas aeruginosa、 Serratia marcescens, Proteus vulgaris に対しては抗菌活性を示さない $^{10}$ 。

近年,抗菌剤の投与によりヒトおよび動物の陽内細菌 叢が変化し,そのことが抗菌剤性の下痢,腸炎発症の一 因であることが報告されている<sup>2,3)</sup>。そこで著者らは CXM-AX の経口投与による腸内細菌叢の変動をマウス および健康人について検討したので報告する。

### I. 対象および方法

# 1. マウスにおける検討

ICR 系マウス、20 匹(雄、18g±1g)に CXM-AX を 1 mg/マウス/日、7日間経口投与した。CXM-AX の経口投与後 4 日目、7日目および投与中止 10 日後のマウス 5 匹宛を屠殺、盲腸内容物を取り出して、後述するヒトにおける検討と同様な培地を用いて菌数測定した。対照として薬剤を投与しない健康マウスの盲腸内細菌数を測定した。

# 2. 健康人における検討

### (1) 対象

試験開始前の3ヵ月前より如何なる抗菌剤の投与を

も受けていない健康な男性志願者 5 名を対象とした。 Table 1 に志願者 5 名の年齢、体重を示した。

#### (2) 使用薬剤および投与方法

英国 Glaxo 社で合成された CXM-AX 250 mg 1日3 回,46 回食後連続経口投与した。

#### (3) 糞便中細菌数の測定方法

CXM-AX 服用開始後,連日便の性状を観察,また服 用前および服用3,8日目,服用終了後1,7,21日目に 自然排泄した糞便を全量採取した (Table 2)。 これらの 糞便は、脱気したビニール袋内でよく混合後定量培養を 実施した。糞便試料は約1g を秤量して上野の希釈液り にて 10 倍希釈し, さらに 10 倍段階希釈により 10-7 倍 まで希釈した。夫々の希釈液を Table 3, 4 に示した非 選択培地および選択培地に塗抹, 好気性菌は 37℃, 24~ 48 時間, 嫌気性菌は Anaerobic chamber (N2, CO2, H₂=80:10:10) 内で37℃,48~168時間培養した。培 養後、各培地ごとに異なった形態の集落ごとに計算し、 各々の形態の代表的な集落を同定するために釣菌した。 好気性菌の同定は、通性嫌気性グラム陰 性 桿菌は API 20 E & Enterotube, Streptococci 12 API Strepto, Staphylococci は API Staph, 糖非発酵グラム陰性桿菌 は API 20 NE を用い、必要に応じて追加試験を加えた。

Table 1 List of healthy human volunteers

Volunteer		Age (years)	Weight (kg)		
A	H.N.	25	75		
В	S.Y.	32	63		
С	K.A.	31	64		
D	H.K.	26	52		
E	K.Y.	30	60		

Table 2 Experimental schedule of CXM-AX administration and sampling of fecal samples

Schedule				Day of s	study			
	1	0	3	8	16	1	7	21
Item	Before	1		ninistration ay, (46 times	5)	I	After	
Microflora	0		0	0		0	0	0
C. difficile and toxins	0		0	0		0	0	0
Drug conc. (CXM-AX & CXM)			0	0		0	0	

Table 3 Procedure for the isolation of aerobic bacteria from fecal flora

Medium	Dilutions of feces *			ces *	Incubation period (Days)	Selection
PEA blood agar	10-1	$10^{-2}$	10-4	$10^{-6}$	2	Gram positive cocci
No. 110 Egg york agar	$10^{-1}$	$10^{-2}$	$10^{-4}$	$10^{-6}$	2	Staphylococcus
SF agar	$10^{-1}$	$10^{-2}$	$10^{-4}$	$10^{-6}$	2	Streptococcus
DHL agar	$10^{-1}$	$10^{-2}$	$10^{-4}$	$10^{-6}$	2	Enterobacteriaceae
NAC agar	10-1	$10^{-2}$	$10^{-4}$	$10^{-6}$	2	Pseudomonas
Candida GE agar	$10^{-1}$	$10^{-2}$	$10^{-4}$	$10^{-6}$	2	Candida
GAM agar	$10^{-1}$	$10^{-2}$	$10^{-4}$	$10^{-6}$	2	Non-selective

<sup>\* 0.01</sup> ml of each dilution was plated on each medium used

Table 4 Procedure for the isolation of anaerobic bacteria from fecal flora

Medium	Di	lutions	of fee	ces *	Incubation period (Days)	Selection
Vancomycin modified FM agar	10-1	$10^{-3}$	$10^{-5}$	$10^{-7}$	4	Fusobacterium
Gentamicin-Vancomycin Brucella blood agar	10-1	$10^{-3}$	$10^{-5}$	$10^{-7}$	4	Bacteroidaceae
Bacteroides bile esculin agar	10-1	$10^{-3}$	10-5	$10^{-7}$	4	B. fragilis group
Gentamicin-Vancomycin Brucella laked blood agar	10-1	10-3	10-5	10-7	7	B. melaninogenicus
Rifampicin Brucella blood agar	10 <sup>-1</sup>	10-3	$10^{-5}$	10-7	4	Clostridium Eubacterium
Kanamycin CW Egg york agar	10-1	$10^{-3}$	$10^{-5}$	$10^{-7}$	4	Clostridium
CW Egg york agar	10-1	$10^{-2}$	10-4	$10^{-6}$	4	Clostridium
CCFA agar	10-1	$10^{-3}$	$10^{-5}$	$10^{-7}$	2	· C. difficile
Bifidobacterium agar	$10^{-1}$	$10^{-3}$	10-5	$10^{-7}$	4	Bifidobacterium
Lactobacillus selective medium	10-1	$10^{-3}$	$10^{-5}$	$10^{-7}$	4	Lactobacillus
PMS agar	10-1	$10^{-3}$	10-5	$10^{-7}$	4	Peptococcaceae
Vancomycin-Oleandomycin Veillonella agar	10-1	$10^{-3}$	10-5	$10^{-7}$	4	Veillonella
GAM agar	10-1	$10^{-3}$	10-5	$10^{-7}$	4	Non-selective

 $<sup>^{</sup>ullet}$  0.01 ml of each dillution was plated on each medium used

嫌気性菌の同定は、各種生化学的性状とガスクロマトグラフィーによる脂肪酸の分析結果より VPI マニュアルを用いて実施した $^{51}$ 。他の好気性菌および通性嫌気性菌の同定には、Bergey's manual (8 版および9 版)を用いて実施した $^{6,7)}$ 。使用した培地、糞便希积倍数、培養日数等については Table 3、4 に示した

#### (4) Clostridium difficile および毒素の検出<sup>3)</sup>

糞便中の C. difficile の分離には CCFA 培地を用いた。 CCFA 培地は Anaerobic chamber 内に 24 時間保管して十分還元された状態のものを用いた。糞便の秤量、希积、培地への接種、培養等のすべての操作は Anaerobic chamber 内で実施した。48 時間嫌気培養後、疑わしい集落を計算、釣菌後同定した。

糞便中の *C. difficile* 毒素は latex immunoassay 法により定量した。

#### (5) 糞中 CXM および CXM-AX 濃度測定

葉の 10 倍希釈液を 3000 rpm 15 分遠沈し、上清中の薬剤濃度を測定した。CXM-AX 濃度の測定は試料液を Silica gel 60 F-254 上に  $5\mu$ l スポットし、エタノール:酢酸エチル:水=4:2:1 の溶媒で展開後、ラット小腸 エステラーゼ(ラット小腸 4 倍ホモジネートの遠沈上清)を噴霧し  $37^{\circ}$ C 30 分反応後、別に調整した培地(ペプトン 0.5%、肉エキス 0.3%、クエン酸ナトリウム 1.0%、塩化トリフェニルテトラゾリウム 0.01%、カンテン 1.5%)にフレートを埋めこみ、B. subtilis ATCC 6633 を検定菌として  $37^{\circ}$ C 18 時間培養後阻止円径を測定した。本法での検出限界は  $31.3 \mu g/g$  である。CXM 濃度測定は薄層ディスク法で行なった。本法での検出限界は  $3.90 \mu g/g$  である。

#### II. 実 験 結 果

### 1. マウス盲腸内細菌叢に対する影響

上記の実験スケジュールに従い、CXM-AX 投与4日目、7日目、投与中止後 10 日目および CXM-AX 無投与マウスの盲腸内細菌叢を測定し、各群5 匹のマウスの成績を Fig.1 に示した。

通性嫌気性グラム陰性桿菌である Enterobacteriaceae と偏性嫌気性菌である Eubacterium は CXM-AX の投与により菌数が著しく減少した。しかし、投与中止後 10日目では、投与前の菌数にまで回復した。一方、通性嫌気性グラム陽性球菌である Enterococcus は CXM-AX の投与により菌数は  $100\sim1000$  倍に増加したが、投与中止により減少した。Bacteroides の菌数には変化はみられなかった。5 匹のマウスにおける盲腸内細菌叢の CXM-AX による変動は、ほぼ同様な傾向がみられたが、そのうちの 1 例について菌種レベルでの変動を Fig. 2, 3 に示した。CXM-AX 投与により Escherichia coli と Eubacterium aerofaciens は著しく減少し、Enterococcus faecalis は著しく増加したが、投与中止後 10日目では、ほぼ薬剤無投与マウスの菌数と同様である。

CXM-AX の7日間経口投与による盲腸内の C.difficile の異常増殖は Table 5 に示す 如く、5 匹中1 匹に  $10^2$  cfu/g の菌数が検出されたのみで、他の4 匹からは C.difficile は検出されなかった。

#### 2. 人の糞便内細菌叢に対する影響

健康な男性志願者5名における CXM-AX の服用前,服用3日目,8日目,服用中止後1日目,7日目および21日目の糞便性状,便中の CXM,CXM-AX 濃度,嫌気性菌総菌数,好気性菌総菌数および各菌種の菌数変動



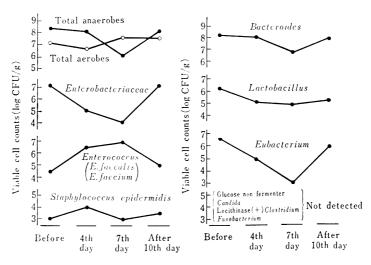


Fig. 2 The changes of anaerobic bacterial population of mouse caecal flora given CXM-AX (1 mg/day)

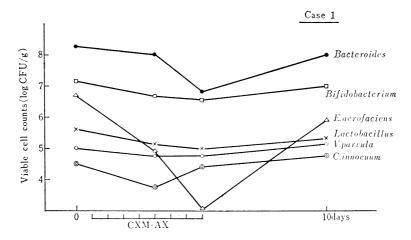


Fig. 3 The changes of aerobic bacterial population of mouse caecal flora given CXM-AX (1 mg/day)

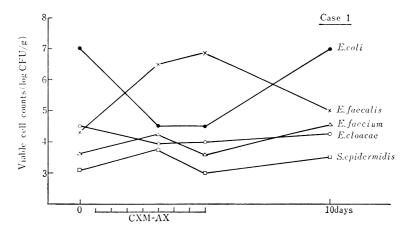


Table 5 Detection of *C. difficile* in caecal contents of mice given CXM-AX for 7 days

•	C. diffic	ile	Det	ection	of <i>C. a</i>	lifficile	CFU	/g)
	No. of mice	/	0	10	$10^{2}$	$10^{3}$	104	10 <sup>5</sup>
•	CXM-AX (1 mg/day)	1 2 3 4 5	•		•			
	Control	1 2 3	•					

を Fig. 4~8 に示した。

# (1) 総菌数の変動

Fig. 4~8 にみられる如く、志願者A、BおよびDでCXM-AX 服用中に若干嫌気性菌の総菌数の一過性の減少がみられたのみで、他の志願者ではCXM-AX 服用中および中止後でも著しい総菌数の変動はみられなかった。

# (2) 菌種, 菌群レベルでの変動

Bacteroides は 4 例 (志願者A, B, C, D) において服薬中または中止翌日の 糞便では一 過性 に 1/10~1/1000 の菌数減少をみとめた。Fusobacterium, Bifidobacterium, Lactobacillus も服薬中に一過性の菌数減少をみとめたが、服薬中止後7日目以後では服薬前の細菌数にまで回復した。Eubacterium, Clostridium, 嫌気性

Fig. 4 Effect of CXM-AX on fecal flora in a healthy volunteer

(log CFU/g) After During Before Subject A th day 5 7 9 11 5 7 9 11 9 Condition of feces loose form*e*d formed formed formed formed N.D. (N.D. N.D. (N.D. N.D.(N.D.) CXM-AX conc. C N.D. (N.D.) Total anaerobes Total aerobes Bacteroides Fusobacterium Bifidobacterium 5 Lactobacillus Enbacterium Clostridium (Lecithinase) + :- { Gr Anaerobic Gram Clostridium (Lecithinase Enterobacteriaceae Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermente BacillusGPR

\*μg/g N.D.: Not detected Detectable conc.: CXM-AX 31.3μg/g, CXM 3.9μg/g

Fig. 5 Effect of CXM-AX on fecal flora in a healthy volunteer

After During Before 7 th day 7 7 9 Subject B 1 st day 5 7 9 11 3 rd day 5 7 9 11 8 th day 5 7 9 11 7 9 11 Condition of fece loose formed formed loose formed CXM AX conc. CXM N.D. (N.D. N.D. (N.D.) N.D. (N.D. N.D. (N.D. Total anaerobes Total aerobes Bacterout Fusobacterium Bifidobacterium Lactobacillus Lubacternum & Clostrolium (Lecithinase Anaerobic Gram Clostridium Lecithinasi Enterobacteriaceae Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism 

μg g N.D : Not detected Detectable conc.: CXM-AX 31.3μg g, CXM 3.9μg/g

球菌の菌数には顕著な変動はみとめられなかった。

Glucose non-fermente Bacillus GPR

Enterobacteriaceae は4例(志願者 A, B, C, E)に 1/10~1/100 の一過性の菌数減少がみとめられた。Streptococcus は5例(志願者A, B, C, D, E)ともに服薬中に一過性の菌数増加をみとめた。Bacillus も4例(志願者A, B, C, D)において服薬中に一過性の菌数増加がみとめられた。しかし、Streptococcus、Bacillus は服薬中止後21日目までに服用前の細菌数にまで減少した。

酵母様真菌は3例(志願者A、C、E)が CXM-AX

服用により検出陽性となったが、服薬中止により培養陰 性となった。

(log CFU g)

糞便内細菌叢の優勢菌種の CXM-AX 服用による変動を菌種,生物型(コード番号)のレベルで詳細に検討した成績を Table 6 に示した。

志願者Aでは服薬前と服薬3日目までの糞便内最優勢 腸内細菌は E. coli 生物型 71340 であったが、服薬8日 目、服薬中止後1日目には Serratia liquefaciens 生物型 64361 に菌交代した。しかし、服薬中止後7日目以後で は服薬前と全く同じ菌種、生物型である E. coli 生物型

(log CFU/g) After During Before Subject C 3 rd day 8 th 7 th day 5 7 9 11 5 7 9 11 Condition of feces loose formedformed formed formed formed N.D. (N.D.) N.D.(N.D.) N.D. (N.D.) CXM-AX conc. CXN N.D. (N.D.) Total anaerobes Total aerobes Bacteroides Fusobacterium BifidobacteriumLactobacillus П Eubacterium & Clostridium (Lecithinase) Anaerobic Gram
cocci Gram
Clostridium
(Lecithinase) Enterobacteriaceae Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermente - Bacillus GPR

Fig. 6 Effect of CXM-AX on fecal flora in a healthy volunteer

Fig. 7 Effect of CXM-AX on fecal flora in a healthy volunteer

Detectable conc. :CXM-AX 31.3µg/g, CXM 3.9µg/g

Bifidobacterium  Lactobacillus Eubacterium & Clostridium ase⊖) Anaerobic Gram⊕ cocci Gram⊕ Clecithinase⊕) Enterobacteriaceae Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacillus GFR						(	log CFU/g)
3   5   7   9   1   3   1   3   1   3   1   3   1   3   1   3   1   3   1   3   1   3   1   3   1   3		Refore	Du	ring		After	
Condition of feces         loose         formed         loose         loose           CXM-AX conc. (CAM)         N.D. (N.D.)	Subject D						
CXM-AX conc. (CXM)         N.D. (N.D.)         N.D. (N.D.) <td></td> <td>3 5 7 9 11</td>		3 5 7 9 11	3 5 7 9 11	3 5 7 9 11	3 5 7 9 11	3 5 7 9 11	3 5 7 9 11
Total anaerobes  Total aerobes  Bacteroides  Fusobacterium  Bif idobacterium &  Cotost ridium  (Lecithnase⊕)  Anaerobic Gram⊕  Clostridium  Lecithnase⊕)  Enterobacteriacea  Staphylococcus  Yeast like organism  Glucose non-fermenter  Bactillus  GPR		loose	formed	loose	formed	loose	loose
Total aerobes  Bacteroides  Fusobacterium  Bif idobacterium &  Lactobacillus  Eubacterium &  Clecithinase⊖)  Anaerobic {Gram⊕	CXM-AX conc. (CXM*)		N.D.(N.D.)	N.D. (N.D.)	N.D.(N.D.)	N.D.(N.D.)	
Bacteroides Fusobacterium Bifidobacterium Lactobacillus Eubacterium & Clecithinase⊝) Anaerobic {Gram⊕ Cocci {Gram⊕ Cotstridium (Lecithnase⊕)} Enterobacteriaceae Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacaillus GPR	Total anaerobes						
Fusobacterium  Bifidobacterium  Lactobacillus Eubacterium & Clecithinase⊝)  Anaerobic {Gram⊕ Costridium (Lecithinase⊕)}  Enterobacteriaceae  Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacaillus GPR	Total aerobes						
Bifidobacterium  Lactobacillus Eubacterium & Clostridium (Lecithinase⊕) Anaerobic {Gram⊕} cocci {Gram⊕} Clostridium (Lecithinase⊕)  Enterobacteriaceae Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Baccillus GPR	Bacteroides						
Lactobacillus Eubacterium & Clostridium (Lecithnase⊖) Anaerobic Gram⊖ Clostridium ————————————————————————————————————	Fusobacterium						
Eubacterium & Clostridium (Lecithnase⊕) Anaerobic {Gram⊕ cocci {Gram⊕ cocstridium (Lecithnase⊕)}  Enterobacteriaceae Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacillus GPR	Bifidobacterium						
Clostridium (Lecithinase⊕) Anaerobic {Gram⊕ Clostridium (Lecithinase⊕)} Enterobacteriaceae Streptococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacaillus GPR	Lactobacillus				ל		
(Lecithinase) Anaerobic {Gram \circ} Clostridium (Lecithinase)  Enterobacteriacea Staphylococcus Staphylococcus Glucose non-fermenter Bacaillus GPR	Eubacterium &						
Anaerobic Gram⊕ cocci Gram⊕ Clestridium Lecithinase⊕)  Enterobacteriaceae Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Baccillus GPR							
cocci \ Gram \( \) Clostridium \( \) Clostridium \( \) Clecithinas \( \) Enterobacteriaceae  Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacaillus GPR							
CLecithinase   D	cocci lGram⊝	<b>d</b>					
Enterobacteriaceae Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacillus GPR	Clostridium	Fn .				Ы	
Streptococcus Staphylococcus Yeast like organism GPR				<u> </u>			
Staphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacacillus GPR			<del></del>			<b>=</b>	
Yeast like organism Glucose non-fermenter Garillus						<b></b>	
Glucose non-fermenter  Bacillus  GPR		_	<b>⊢</b>	Ħ	<b>-</b>		
Bacillus GPR			<del></del>	Ħ	<b>片</b>	Ь	
GPR	A STATE OF THE STA		_	_		۲	<b>—</b>
						<del></del>	<b>—</b>
		'N-t doto	Data de 11	L CVM	A V 21 2	CVM 2.0	L

#### 71340 に回復した。

志願者B, Cでは服薬により E.coli から Enterobacter cloacae に菌交代し、服薬中止により E.coli が再出 現したが、生物型は服薬前の E.coli と異なり(志願者 B:E.coli 生物型  $75300\rightarrow E.coli$  生物型 71100, 75340, 75340; 志願者 C:E.coli 生物型  $71340\rightarrow E.coli$  生物型 75340, 75340, 75340),完全に服薬前の細菌叢に回復したと判定するには困難である。

 $\mu g/g$ 

N.D.: Not detected

志願者D, Eでは服薬前の糞便は Klebsiella pneumoniae が最優勢菌種であったが、服薬により E.coli に菌

交代し、中止後 21 日目においても E. coli が最優勢菌種 で K. pneumoniae は回復していない。

### (3) C. difficile と毒素の検出

CXM-AX 服用後の C. difficile と毒素の検出は Table 7 に示した。志願者 B , D , E では服薬中および中止後 に一過性に C. difficile と小量の毒素が検出された。 C. difficile および毒素の検出と下痢には特別な関係はみと められなかった。 C. difficile が検出された志願者 B , D , E の便性状は Fig. 5, 7, 8 にみられる如く,志願者 D , E では無形便であったが,志願者 B では有形便であった。

Fig. 8 Effect of CXM-AX on fecal flora in a healthy volunteer

(log CFU/g) During After Before Subject E 7 th day 5 7 9 8 th da 5 7 9 11 loose Condition of feces formed formed loose formed CXM-AX conc. CXM N.D. (N.D. N.D. N.D. N.D. (N.D.) N, D, (N, D)Total anaerobes Total aerobes Bacteroides Fusobacterium Bifidobacterium Lactobacillus Eubacterium & Clostridium (Lecithinase)
Anaerobic Gram Cocci Gram Clostridium (Lecithinase Enterobacteriaceae Streptococcus Stuphylococcus Yeast like organism Glucose non-fermenter Bacillus <u>GPR</u> Detectable conc.: CXM-AX 31.3µg g, CXM 3.9µg g  $\mu g/g$ N.D.: Not detected

Table 6 Changing patterns of predominant *Enterobacteriaceae* in feces after oraly administered CXM-AX (250 mg×3/day, 46 times)

Medication	Defens	Dur	ring	After			
Subject	Before	3 rd	8 th	1 st	7 th	21st	
A	E. coli 71340*	E. coli 71340	S. liquefaciens 64361	S. liquefaciens 64361	E. coli 41740	E. coli 71340	
В	E. coli 75300	E. cloacae 64361	E. cloacae 64161	E. coli 71100 75340	E. coli 75340	E. coli 75340	
С	E. coli 71340	E. cloacae 64361	E. cloacae 64361	E. coli 75340	E. coli	E. coli 75340	
D	K. pneumoniae 64740 70763	C. amalonaticus 65341	E. coli 75340	E. coli 75350	E. coli 75340	E. coli 75350	
Е	K. pneumoniae 70763	K. pneumoniae 70763 E. coli 71350	E. coli 75340	E. coli 71340	Unidentified species	E. coli 71340 71740	

Biotype

しかし、C. difficile が検出されなかった志願者 C でも無形便がみとめられ、さらに志願者 A、D では服薬前の糞便でも無形便であり、とくに志願者 A では水様便であった。したがって、無形便から C. difficile が検出された志願者 D、E は C. difficile が軟便の原因と推定することは困難である。しかし、C. difficile が検出された前後の糞便が無形便であることは、C. difficile の関与を全く否定

することもできない。

# (4) 糞便中の CXM-AX 濃度

志願者 5名(A, B, C, D, E)の糞便中の CXM-AX 濃度を測定した成績は Fig.4~8 に示す如く, すべて検出限界濃度以下であった。

(5) C. difficile 保菌者での CXM-AX 服用による C. difficile の異常増殖

Subject

Α

В

С

D

Ε

C. difficile

C. difficile

C. difficile

C. difficile D-1 toxin

C. difficile D-1 toxin

C. difficile D-1 toxin

Medication	During			After		
Organism	Before	3 rd	8 th	1 st	7 th	21st
C. difficile C. difficile D-1 toxin	_	_	_	_	_	_
C. difficile C. difficile D-1 toxin	_	_		10 <sup>5</sup> 100 ng/ml	_	_

 $10^{5}$ 

 $\leq 100 \, \text{ng/ml}$ 

 $10^{5}$ 

 $620\, ng/ml$ 

 $10^5$ 

 $< 26 \, \text{ng/ml}$ 

10<sup>5</sup>

<26 ng/ml

Table 7 Detection of C. difficile in fecal contents of healthy volunteers

Table 8 Effect of CXM-AX on fecal flora in a healthy volunteer (53 years) (1500 mg/day for 6 days)

 $10^{5}$ 

<26 ng/mI

Medication	Before	During	After		
Organism	Delote	6th day	2 nd day	10 th day	
Total	10	9.0	10	10	
Total facultative and aerobic	7.0	7.0	7.9	7.0	
E. coli	6.6	4.5	6.3	6.3	
Enterobacteriaceae	5.0	4.0	<4.0	6.0	
Pseudomonas	<3.0	<3.0	<3.0	<3.0	
Streptococcus	6.8	7.0	7.8	6.5	
Staphylococcus	5.0	<3.0	4.5	4.5	
Bacillus	4.2	6.6	4.0	3.5	
Candida	<3.0	<3.0	3.0	<3.0	
Total anaerobic	11	9.5	10	11	
Bacteroides	11	10.5	8.5	11	
Fusobacterium	5.0	6.0	7.0	5.7	
V. parvula	6.0	5.5	5.0	5.0	
Eubacterium	8.0	5.5	6.5	7.0	
Clostridium	5.0	4.0	5.0	5.5	
Bifidobacterium	9.7	8.7	8.7	8.7	
Lactobacill <b>us</b>	6.0	8.0	6.0	6.0	
Gram positive cocci	7.0	< 5.0	6.0	7.0	
C. difficile	< 2.0	<2.0	<2.0	< 2.0	

Viable cell counts (log CFU/g)

C. difficile の少数を常時保菌していることが明らかな 健康男性志願者1名に CXM-AX を1日 1500 mg, 6 日間連続服用させ、糞便内細菌叢の変動と C. difficile お よび毒素の証明を検討した成績を Table 8, Fig. 9 に示 した。

糞便内細菌叢の変動は上記の5名の志願者と同様に顕 著でなかった。また、C. difficile と毒素は全経過を通じ

て全く陰性で、C. difficile の異常増殖はみとめられなか った。

#### III. 考

腸管内細菌叢に対する抗菌剤の投与の影響は, 抗菌剤 の投与法(経口,注射),注射剤では胆汁排泄量,腸管内 での吸収, 安定性および常在菌群に対する抗菌活性など により異なると考えられる。CXM-AX は経口セフェム

				$(\log CFU/g)$
Medication	Before	During		ter
Organism	3 5 7 9 11	6th day 3 5 7 9 11	2nd day 3 5 7 9 11	10th day 3 5 7 9 11
Total				
Total facultative and aerobic				
E.coli				
Enterobacteriaceae			< 4.0	
Pseudomonas	< 3.0	< 3.0	< 3.0	< 3.0
Streptococcus				
Staphylococcus		<3.0		
Bacillus				
Candi da	<3.0	<3.0		< 3.0
Total anaerobic				
Bacteroides				
Fusobacterium				
V.parvula				
Eubacterium				
Clostridium				
Bifidobacterium		·		
Lactobacillus				
Gram positive cocci		< 5.0		
C.difficile	< 2.0	< 2.0	< 2.0	< 2.0

Fig. 9 Effect of CXM-AX on fecal flora in a healthy volunteer (53 years, 1,500 mg/day ×6 days)

剤で、それ自体には抗菌作用はないが、腸管壁内で脱エステル化されて Cefuroxime として吸収され、抗菌作用を発揮する。

CXM はグラム陽性球菌、グラム陰性桿菌に広く強い 抗菌力を有しているが、Enterococcus faecalis、Enterobacter cloacae、Pseudomonas aeruginosa に対しては抗 菌力が弱い。一方、嫌気性菌に対しては  $\beta$ -lactamase 産 生の Bacteroides fragilis group 以外の菌に強い抗菌力 を有している"。

CXM-AX 服用の健康男性志願者の糞便内細菌叢の変 動は CXM の in vitro の抗菌力をよく反映した。Bacteroides の変動は比較的少なく, また Enterobacteriaceae の変動も比較的少なかったが、Enterococcus faecalis (Streptococcus faecalis), Bacillus, 酵母様真菌が一過性 に増加したが、薬剤投与を中止すると速やかに正常細菌 叢に回復することがみとめられた。Fusobacterium, Bifidobacterium, Lactobacillus も薬剤服用で一過性に菌数 の減少がみとめられたが、薬剤服用を中止すると速やか に正常細菌叢に回復することが示唆された。このように CXM-AX 服用による糞便内正常細菌叢の変動が最小限 に留まった理由は、同時に検査した糞便内薬剤濃度が5 名中全例が検出限界量以下にまで低下していたことが考 えられる。大腸内での CXM-AX は Bacteroidaceae の 産生する β-lactamase により分解されたものと考えら れる。CXM は Bacteroides の β-lactamase により容易

に加水分解を受けることは明らかである<sup>8,9</sup>。 CXM-AX は小腸内で脱エステル化されて CXM と して吸収されることが考えられるが、 *Bacteroides* は小腸には常在せず、小腸上部では分解を受けることなく吸収されるものと推察される<sup>10</sup>。

近年、抗菌剤性下痢の原因菌として C. difficile が注目されているが<sup>2</sup>、今回の実験では5名中3名から一過性に C. difficile が検出されたが、いずれも 下痢症状はなく、他剤の成績と同様で特に問題視する必要はないと考える。即ちほとんどの薬剤投与で C. difficile の一過性の増加がみられるからである<sup>2,0</sup>。しかし、他剤と同様に強い抗菌力、広い抗菌スペクトラムを有する抗菌剤投与では抗菌剤性下痢には注意すべきものであろう。

#### 文 南

- 1) Cefuroxime axetil: 第 33 回日本化学療法学会 西日本支部総会, 新薬シンポジウム I。Cefuroxime axetil (SN 407), 大阪, 1985
- 上野一恵,小林とよ子,渡辺邦友:薬剤性腸炎: 細菌学的立場から。臨床成人病,14:1039~1049, 1984
- 3) 上野一恵,小林とよ子,神野英毅,渡辺邦友:抗 生剤性下痢症と Clostridium difficile 毒素:そ の診断法を中心にして。けんさ、14:3~19,1984
- 4) 鈴木祥一郎, 上野一恵: 臨床 嫌気性 菌マニュアル。ニッスイライブラリー No.6, 97, 1979
- HOLDEMAN, L. V. E. P. Cato and W. E. C. Moore.: Anaerobe laboratory manual, 4th ed.,

- Virginia Polytechnic Institute and State University, Blacksburg, 1977
- 6) KRIEG, N. R. and J. G. Hoet 編: Bergey's manual of Systematic Bacteriology Vol. 1., Williams & Wilkins, Baltimore, 1985
- BUCHANAN, R. E. and N. E. Gibbons 編.: Bergey's manual of Determinative Bacteriology, 8 ed., Williams & Wilkins, Baltimore, 1974
- 8) MASAZO TAJIMA, KAKUYO SAWA, KUNITOMO
- WATANABE and KAZUE UENO.: The β-lactamases of Genus Bacteroides J. Antibiotics, 36: 423~428, 1983
- 9) 上野一恵:嫌気性菌感染症。臨床科学, 22:322 ~333, 1986
- 10) 沢 赫代,小林とよ子,神野英毅,渡辺邦友,上野一恵,中島光好: Cefixime(CFIX)の健康人の腸内細菌叢に対する影響。Chemotherapy 33 (S-6):169~180,1986

# THE EFFECTS OF CEFUROXIME AXETIL ON BACTERIAL NORMAL FLORA IN THE INTESTINE OF HEALTHY MALE VOLUNTEERS AND MICE

KAKUYO SAWA, HARUKI SAWAMURA, KAZUKIYO YAMAOKA, KAZUO SEKIGUCHI,

Тоуоко Ковачаshi, Kunitomo Watanabe and Kazue Ueno
Institute of Anaerobic Bacteriology, Gifu University, School of Medicine

We investigated the effects of cefuroxime axetil (CXM-AX) on bacterial normal flora in the intestine of 5 healthy male volunteers given the drug in the oral doses of 250 mg three times daily for 16 consecutive days. Some species of anaerobic bacteria decreased, and *Enterococcus faecalis* and *Bacillus* increased, however these changes returned to normal soon after the end of the dosing period.

No diarrhea occurred in any of the 5 volunteers given the drug orally. However, a small number of Clostridium difficile were detected in 3 volunteers either during or at the end of the dosing period.